

C9orf72, age at onset, and ancestry help discriminate behavioral from language variants in FTL D cohorts

Beatrice Costa, BSc¹; Claudia Manzoni, PhD^{2,3}*; Manuel Bernal-Quiros, PhD⁴; Demis A Kia, MD¹; Miquel Aguilar, MD⁵; Ignacio Alvarez, MSc^{6,55}; Victoria Alvarez, PhD^{7,54}; Ole Andreassen, MD, PhD⁸; Maria Anfossi, PhD⁹; Silvia Bagnoli, PhD¹⁰; Luisa Benussi, PhD¹¹; Livia Bernardi, PhD⁹; Giuliano Binetti, MD¹¹; Daniel Blackburn, MD, PhD¹²; Mercè Boada, MD, PhD^{13,56}; Barbara Borroni, MD¹⁴; Lucy Bowns^{15,57}; Geir Bråthen, MD, PhD^{16,58}; Amalia C Bruni, MD⁹; Huei-Hsin Chiang, PhD^{17,59}; Jordi Clarimon, PhD^{18,56}; Shuna Colville, MSc¹⁹; Maria E Conidi, PhD⁹; Tom E Cope, MD, PhD^{15,57}; Carlos Cruchaga, PhD²⁰; Chiara Cupidi, MD⁹; Maria Elena Di Battista, MD, PhD²¹; Janine Diehl-Schmid, MD²²; Monica Diez-Fairen, MSc^{6,55}; Oriol Dols-Icardo, PhD^{18,56}; Elisabetta Durante, PhD²³; Dušan Flisar, MD^{24,60}; Francesca Frangipane, MD⁹; Daniela Galimberti, PhD^{25,61}; Maura Gallo, PhD⁹; Maurizio Gallucci, MD²¹; Roberta Ghidoni, PhD¹¹; Caroline Graff, MD, PhD^{17,59}; Jordan H Grafman, PhD²⁶; Murray Grossman, MD^{27,62}; John Hardy, PhD^{1,28}; Isabel Hernández, MD, PhD^{13,56}; Guy JT Holloway, MBBS^{29,19}; Edward D Huey, MD³⁰; Ignacio Illán-Gala, MD, PhD^{18,56}; Anna Karydas, MSc³¹; Behzad Khoshnood, PhD^{17,59}; Milica G Kramberger, MD, PhD^{24,60}; Mark Kristiansen, PhD³²; Patrick A Lewis, PhD^{1,3,72}; Alberto Lleó, MD, PhD^{18,56}; Gaganjit K Madhan, MSc³²; Raffaele Maletta, MD⁹; Aleš Maver, MD, PhD³⁹; Manuel Menendez- Gonzalez, MD, PhD^{7,63}; Graziella Milan, MD^{33,44}; Bruce Miller, MD³¹; Merel O Mol, MSc³⁴; Parastoo Momeni, PhD³⁵; Sonia Moreno-Grau, PhD^{13,56}; Chris M Morris, PhD³⁶; Benedetta Nacmias, PhD^{10,64}; Christer Nilsson, MD^{37,50}; Valeria Novelli, PhD^{38,65}; Linn Öijerstedt, MD^{17,59}; Alessandro Padovani, MD¹⁴; Suvankar Pal, MBBS MRCP MD^{19,66}; Yasmin Panchbhaya, MSc³²; Pau Pastor, MD, PhD^{6,55}; Borut Peterlin, MD, PhD³⁹; Irene Piaceri, PhD¹⁰; Stuart Pickering-Brown, PhD⁴⁰; Yolande AL Pijnenburg, MD, PhD^{41,67}; Annibale A Puca, MD^{42,68}; Innocenzo Rainero, MD, PhD⁴³; Antonella Rendina, PhD⁴⁴; Anna MT Richardson, FRCP^{45,40}; Ekaterina Rogaeva, PhD⁴⁶; Boris Rogelj, PhD^{47,69}; Sara Rollinson, PhD⁴⁰; Giacomina Rossi, PhD⁴⁸; Carola Rossmeier, MD²²; James B Rowe, MD, PhD^{15,57}; Elisa Rubino, MD, PhD⁴³; Agustín Ruiz, MD, PhD^{13,56}; Raquel Sanchez-Valle, MD, PhD^{49,70}; Sigrid B Sando, PhD^{16,58}; Alexander F Santillo, MD, PhD⁵⁰; Jennifer Saxon, MSc⁴⁵; Elio Scarpini, MD^{25,61}; Maria Serpente, PhD^{25,61}; Nicoletta Smirne, BSc⁹; Sandro Sorbi, MD^{10,64}; EunRan Suh, PhD²⁷; Fabrizio Tagliavini, MD⁴⁸; Jennifer C Thompson, PhD^{45,40}; John Q Trojanowski, MD, PhD²⁷; Vivianna M Van Deerlin, MD, PhD²⁷; Julie Van der Zee, PhD^{51,71}; Christine Van Broeckhoven, DSc, PhD^{51,71}; Jeroen van Rooij, MD³⁴; John C Van Swieten, MD³⁴; Arianna Veronesi, MD, PhD²³; Emilia Vitale, PhD⁴⁴; Maria L Waldö, MD, PhD⁵²; Cathy Woodward, MSc⁴; Jennifer Yokoyama, PhD³¹; Valentina Escott-Price, PhD⁵³; James M Polke, PhD⁴ and Raffaele Ferrari, PhD¹ for the International FTD-Genetics Consortium (IFGC)

L'attenzione volta a migliorare la comprensione della Malattia Frontotemporale (FTD) è in continuo aumento. In quest'ottica, l'International FTD-Genetic Consortium ha pubblicato in questi giorni su *Neurology* un'analisi dei fattori di rischio potenzialmente in grado di discriminare fra lo sviluppo della variante comportamentale (bvFTD) o linguistica (PPA) di demenza Frontotemporale. In particolare, l'obiettivo di questo studio è stato quello di valutare in che modo l'associazione tra l'entità dell'espansione del gene C9orf72, uno dei geni più frequentemente associati a FTD, l'ascendenza e l'età d'esordio di malattia, potesse aiutare nel discriminare le due varianti di FTD.

Sono interessanti i risultati dello studio che hanno dimostrato come la variante comportamentale rispetto a quella linguistica sia associata ad una maggiore espansione del gene C9orf72, la quale, a sua volta, è più frequente negli individui dell'Europa centro - settentrionale. Inoltre, anche l'insorgenza di malattia risulta più precoce nei pazienti con maggiore espansione del gene e/o provenienti dall'Europa centro-settentrionale.

La conclusione degli autori è un modello di previsione basato sull'espansione del gene C9orf72, l'ascendenza e l'età d'esordio della malattia in grado di predire con un'accuratezza del 64% una diagnosi di bvFTD.